

FIGURE 1  
Amino Acid Sequence Alignment of CCAAT Box DNA Binding Transcription Factors

SEQ ID NO:2	MAEAPASPGG	GGSHESGSP	RGGGGGGSVR	EQDRFLPIAN	ISRIMKKAIP	ANGKTIPANG
SEQ ID NO:3	MAEAPASPGG	GGSHESGSP	RGGGGGGSVR	EQDRFLPIAN	ISRIMKKAIP	ANGK-----
SEQ ID NO:6	MSDAPPSPTH	--ESGGEQSP	RG-SSSG-AR	EQDRYLPIAN	ISRIMKKALP	PNGK-----
SEQ ID NO:7	MADTPSSPAG	DGG---ES--	-----GGSVR	EQDRYLPIAN	ISRIMKKALP	PNGK-----
SEQ ID NO:8					<b>R EQDRYLPIAN ISRIMKKALP</b>	<b>PNGKXXXXXX</b>
SEQ ID NO:10	<b>XXXXXPSPXX</b>					
SEQ ID NO:2	KIAKDAKETV	QECVSEFISF	ITSEASDKCQ	REKRKTINGD	DLLWAMATLG	FEDYIEPLKV
SEQ ID NO:3	-IAKDAKETV	QECVSEFISF	ITSEASDKCQ	REKRKTINGD	DLLWAMATLG	FEDYIEPLKV
SEQ ID NO:6	-IAKDAKDTM	QECVSEFISF	ITSEASEKCQ	KEKRKTINGD	DLLWAMATLG	FEDYIEPLKV
SEQ ID NO:7	-IGKDAKDTV	QECVSEFISF	ITSEASDKCQ	KEKRKTVNGD	DLLWAMATLG	FEDYLEPLKI
SEQ ID NO:8	<b>XIAKDAKXTX</b>	<b>QECVSEFISF</b>	<b>ITSEASXKCQ</b>	<b>KEKRKTINGD</b>	<b>DLLWAMATLG</b>	<b>FEDYIEPLKV</b>
SEQ ID NO:2	YLQKYREMEG	DSKLTAKSSD	GSIKKDALGH	VGASSSAAQ	MGQQGAYNQ	MGYMQPQYHN
SEQ ID NO:3	YLQKYREMEG	DSKLTAKSSD	GSIKKDALGH	VGASSSAAEG	MGQQGAYNQ	MGYMQPQYHN
SEQ ID NO:6	YLARYREAEG	DTKGSARS	GD	GSATPDQVGL	AGQNSQLVHQ	GSLNYIGLQV
SEQ ID NO:7	YLARYRELEG	DNKSGKSGD	GSNRDAGGV	S	G	SGEEMPSW
SEQ ID NO:8	<b>YLXXYREXEG</b>					
SEQ ID NO:9		<b>DSKLTAKSSD</b>	<b>GSIKKDALGH</b>	<b>VGASSSAAAG</b>	<b>MGQQGAYNQ</b>	<b>MGYMQPQYHN</b>
SEQ ID NO:2	GDISN					
SEQ ID NO:3	GDISN					
SEQ ID NO:6	MPSMQSHE					
SEQ ID NO:9	<b>GDISN</b>					